

<p>UMC St Radboud Laboratorium Tumorgenetica Postbus 9101 6500 HB Nijmegen</p> <p>Bezoekadres Route 846 Geert Grooteplein 10 6525 GA Nijmegen</p> <p>T +31-24-3655722 F +31-24-3616658 E LTG@umcn.nl I www.umcn.nl/LTG</p>	<p>Patiëntgegevens</p> <p>Naam + voorletters</p> <p>Adres Postcode + woonplaats</p> <p>Geboortedatum</p> <p>Geslacht</p> <p>Verzekeringsmij. Polisnummer</p>	<p>patiëntsticker / volledig invullen</p> <div style="border: 1px solid black; height: 150px; width: 100%;"></div>
---	---	--

Alle uitslagen worden per post verzonden aan het aan het aanvragend pathologielaboratorium en, indien aangegeven, per fax aan de behandelend clinicus

<p>Aanvragend pathologielab:</p> <p>Aanvragend patholoog:</p> <p>Uw T-nr.:</p>	<p>Behandelend clinicus*:</p> <p>Ziekenhuis:</p> <p>Afdeling:</p> <p>Faxnummer:</p>
--	---

* Alleen invullen indien het een *KRAS/EGFR* aanvraag betreft

Om uw aanvraag in behandeling te nemen hebben wij het volgende nodig:

1. aanvraagformulier
2. PA-verslag
3. blokje(s) tumorweefsel
4. indien is aangegeven in de indicatietabel dat referentiemateriaal wenselijk is: blokje normaal weefsel of bloed

<p>In te vullen door Laboratorium Tumorgenetica</p> <p>Datum ontvangst:</p> <p>Opmerkingen:</p>
--

Aandoening	Moleculaire marker en techniek (zie www.umcn.nl/LTG voor details)	Weefsel Vries/Paraffine [§]	Termijn* (weken)
Diagnostiek t.b.v. therapierespons			
<input type="checkbox"/> Mammacarcinoom	<i>ERBB2 (HER2/Neu)</i> amplificatie (FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Colorectaalcarcinoom	<i>KRAS</i> codon 12, 13 en 61 mutatie-analyse	P	1-2
Het biopt voorafgaand aan neoadjuvant therapie insturen s.v.p.			
<input type="checkbox"/> Niet-kleincellig longcarcinoom (zie voetnoot)	<i>EGFR</i> exon 18 t/m 21 en <i>KRAS</i> codon 12, 13 en 61 mutatie-analyse	P	1-2
<input type="checkbox"/> Niet-kleincellig longcarcinoom	<i>EGFR</i> amplificatie (FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Gastro-intestinale StromaTumor (GIST)	<i>KIT</i> exon 9, 11, 13, 14, 17 en <i>PDGFRA</i> exon 12, 14, 18 mutatie-analyse	P	1-2
Clonale relatie multipole tumoren (bij mutatie-analyse, indien mogelijk ook normaal weefsel meesturen)			
<input type="checkbox"/> Carcinoom	<i>TP53</i> exon 5 t/m 8 mutatie-analyse	P	2
<input type="checkbox"/> Melanoom	<i>CDKN2A (P16)</i> exon 1 t/m 3 mutatie-analyse	P	2
<input type="checkbox"/> Lymfoom	Ig en/of TCR genherschikkingen (PCR)	V / (P)	2
Hematologische aandoeningen			
<input type="checkbox"/> B-cel clonaliteitsanalyse	<i>IGH</i> en <i>IGK</i> genherschikkingen (PCR)	V / (P)	2
<input type="checkbox"/> T-cel clonaliteitsanalyse	<i>TCRB</i> en <i>TCRG</i> genherschikkingen (PCR)	V / (P)	2
<input type="checkbox"/> Burkitt lymfoom	<i>MYC</i> (split-probe) / <i>IGH-MYC</i> t(8;14)(q24;q32) (FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Mantelcel lymfoom	<i>CCND1 (Cyclin D1)</i> (split-probe FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Folliculair lymfoom	<i>BCL2-IGH</i> t(14;18)(q32;q21) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Folliculair lymfoom	<i>BCL2</i> (split-probe FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Laaggradig MALT lymfoom	<i>BIRC3-MALT1</i> t(11;18)(q21;q21) (RT-PCR)	V / (P)	1-2
<input type="checkbox"/> Laaggradig MALT lymfoom	<i>MALT1</i> (split-probe FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Splenaal marginale zone lymfoom	Chromosoom 7q status bepaling (FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Anaplastisch grootcellig lymfoom	<i>ALK</i> (split-probe FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Overige lymfomen, targets aangeven	<i>BCL6, IGH, IGK, IGL</i> (split-probe FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Chronische lymfatische leukemie (CLL) / Klein lymfocytair lymfoom (SLL)	<i>IGH</i> mutatie-analyse	V	4
<input type="checkbox"/> Myeloproliferatieve neoplasieën (MPN)	<i>JAK2</i> codon 617 en <i>MPL</i> codon 515 mutatie-analyse	P	1-2
Sarcomen			
<input type="checkbox"/> Ewing sarcoom/PNET	<i>EWSR1-FLI1</i> t(11;22)(q24;q12) en <i>EWSR1-ERG</i> t(21;22)(q22;q12) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Alveolair rhabdomyosarcoom	<i>PAX3-FOXO1</i> t(2;13)(q35;q14) en <i>PAX7-FOXO1</i> t(1;13)(p36;q14) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Synoviaal sarcoom	<i>SS18-SSX1</i> t(X;18)(p11;q11) en <i>SS18-SSX2</i> t(X;18)(p11;q11) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Synoviaal sarcoom	<i>SS18</i> (split-probe FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Myxoid liposarcoom	<i>FUS-DDIT3</i> t(12;16)(q13;p11) en <i>EWSR1-DDIT3</i> t(12;22)(q13;q12) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Goed gedifferentieerd en gedifferentieerd liposarcoom	<i>MDM2</i> amplificatie (FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Clear cell sarcoom	<i>EWSR1-ATF1</i> t(12;22)(q13;q12) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Extraskeletaal myxoid chondrosarcoom	<i>EWSR1-NR4A3</i> t(9;22)(q22-31;q12) en <i>TAF15-NR4A3</i> t(9;17)(q22;q11) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Desmoplastische rondceltumor	<i>EWSR1-WT1</i> t(11;22)(p13;q12) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Congenitaal fibrosarcoom / Cellulair congenitaal mesoblastair nefroom	<i>ETV6-NTRK3</i> t(12;15)(p13;q12) (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Laaggradig fibromyxoid sarcoom	<i>FUS-CREB3L2</i> t(7;16)(q33;p11) (RT-PCR)	V	1-2
Diversen			
<input type="checkbox"/> Uvea melanoom	Chromosoom 3 status bepaling (MLPA)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Melanocyttaire laesies	<i>BRAF</i> codon 600, <i>NRAS</i> codon 13 en 61, <i>HRAS</i> codon 61, <i>GNAQ</i> codon 209 en <i>GNA11</i> codon 209 mutatie-analyse	P	1-2
<input type="checkbox"/> Glioom (oligodendrogiaal)	Chromosomen 1p/19q status bepaling (MLPA)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Glioom (glioblastoma multiforme)	<i>MGMT</i> hypermethylering (MS-MLPA)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Glioom (laaggradig)	<i>IDH1</i> codon 132 en <i>IDH2</i> codon 172 mutatie-analyse	P	1-2
<input type="checkbox"/> Glioom (pilocytair en diffuus astrocytair)	<i>IDH1</i> codon 132 analyse en <i>KIAA1549-BRAF</i> (RT-PCR)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Neuroblastoom	<i>NMYC</i> amplificatie (FISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Fibreuze dysplasie	<i>GNAS1</i> codon 201 mutatie-analyse	V	1-2
<input type="checkbox"/> Mola zwangerschap	Numerieke chromosoom afwijkingen (CISH)	P	1-2
<input type="checkbox"/> Weefsel identificatie	Haplotypering (referentiemateriaal nodig)	V / P	2-3
Microsatelliet instabiliteitsonderzoek aangevraagd door de patholoog (MIPA)			
(ook normaal weefsel meesturen en het biopt voorafgaand aan neoadjuvant therapie insturen s.v.p.)			
<input type="checkbox"/> Colorectaal- of endometriumcarcinoom < 50 jaar	Microsatelliet instabiliteitsanalyse (MSI) en/of	P	4
<input type="checkbox"/> Tweede colorectaalcarcinoom < 70 jaar (gelijktijdig of na elkaar)	immunohistochemie voor <i>MLH1</i> , <i>PMS2</i> , <i>MSH2</i> en <i>MSH6</i>	P	4
<input type="checkbox"/> Colorectaal- of endometriumcarcinoom en Lynch syndroom gerelateerd carcinoom < 70 jaar		P	4
<input type="checkbox"/> Overig, namelijk:		P	4

Voetnoot: Bij kleine biopten of biopten waar nauwelijks tumorcellen in aanwezig zijn kan ook cytologisch materiaal worden ingezonden, echter er dient rekening mee te worden gehouden dat het cytologisch materiaal (gedeeltelijk) wordt verbruikt.

[§]mits niet ontkalkt, anders graag vriesmateriaal insturen.

*termijn na ontvangst van het aanvraagformulier en geschikt materiaal waarbinnen de uitslag gewoonlijk aan de aanvrager meegedeeld kan worden.